

# Localizar el CNCI – Category Normalized Citation Impact

Desde el artículo que queremos analizar:

> Clic en “Open comparison metrics panel” o “Abrir el panel de métricas de comparación”

Buscar > Resultados para 10.1016/j.c... > Hallmarks of Cancer: The Next Generation

Texto completo gratuito de la editorial Enlaces Web de texto completo Exportar Añadir a la lista de registros marcados

1 de 1

## Hallmarks of Cancer: The Next Generation

**De** Hanahan, D (Hanahan, Douglas) [1], [2]; Weinberg, RA (Weinberg, Robert A.) [3], [4]

**Fuente** CELL

← Ver impacto de la revista

Volumen: 144 Número: 5 Página: 646-674  
DOI: 10.1016/j.cell.2011.02.013

**Publicado** MAR 4 2011

**Indexado** 2011-03-04

**Tipo de documento** Review

**Resumen**  
The hallmarks of cancer comprise six biological capabilities acquired during the multistep development of human tumors. The hallmarks constitute an organizing principle for rationalizing the complexities of neoplastic disease. They include sustaining proliferative signaling, evading growth suppressors, resisting cell death, enabling replicative immortality, inducing angiogenesis, and activating invasion and metastasis. Underlying these hallmarks are genome instability, which generates the genetic diversity that expedites their acquisition, and inflammation, which fosters multiple hallmark functions. Conceptual progress in the last decade has added two emerging hallmarks of potential generality to this list-reprogramming of energy metabolism and evading immune destruction. In addition to cancer cells, tumors exhibit another dimension of complexity: they contain a repertoire of recruited, ostensibly normal cells that contribute to the acquisition of hallmark traits by creating the "tumor microenvironment." Recognition of the widespread applicability of these concepts will increasingly affect the development of new means to treat human cancer.

**Palabras clave**  
**KeyWords Plus:** EPITHELIAL-MESENCHYMAL TRANSITION; DNA-DAMAGE RESPONSE; DOUBLE-EDGED-SWORD; STEM-CELLS; TGF-BETA; TUMOR PROGRESSION; TELOMERE LENGTH; ENDOGENOUS INHIBITORS; LINKING INFLAMMATION; CELLULAR SENESENCE

**Información del autor**  
Dirección de correspondencia: Hanahan, Douglas (autor de correspondencia)  
Ecole Polytech Fed Lausanne, Swiss Inst Expt Canc Res, Sch Life Sci, CH-1015 Lausanne, Switzerland  
Direcciones de correo electrónico : dh@epfl.ch  
Direcciones :  
1 Ecole Polytech Fed Lausanne, Swiss Inst Expt Canc Res, Sch Life Sci, CH-1015 Lausanne, Switzerland  
2 UCSF, Dept Biochem & Biophys, San Francisco, CA 94158 USA  
3 Ludwig MIT Ctr Mol Oncol, Whitehead Inst Biomed Res, Cambridge, MA 02142 USA  
4 MIT Dept Biol, Cambridge, MA 02142 USA  
Direcciones de correo electrónico : dh@epfl.ch; weinberg@wi.mit.edu

**Categorías/Clasificación**  
Áreas de investigación: Biochemistry & Molecular Biology; Cell Biology  
Citation Topics: 1 Clinical & Life Sciences > 1.6 Immunology > 1.6.214 Checkpoint Inhibition  
Objetivos de Desarrollo Sostenible: 03 Good Health and Well-being

**Categorías de Web of Science** Biochemistry & Molecular Biology; Cell Biology

Términos MeSH Desde MEDLINE®

### Red de citas

En Web of Science Core Collection

**51,357**  
Citas

🔔 Crear alertas de citas

**61,329**  
Veces citado en Todas las bases de datos

+ Ver más veces citado

+ Ver preprints donde se cita

**246**  
Referencias citadas

→ Ver registros relacionados

¿Cómo se comparan las citas de este documento con las de otros documentos similares?

← Abrir el panel de métricas de comparación

Los datos proceden de InCites Benchmarking & Analytics

Cita de artículos por clasificación

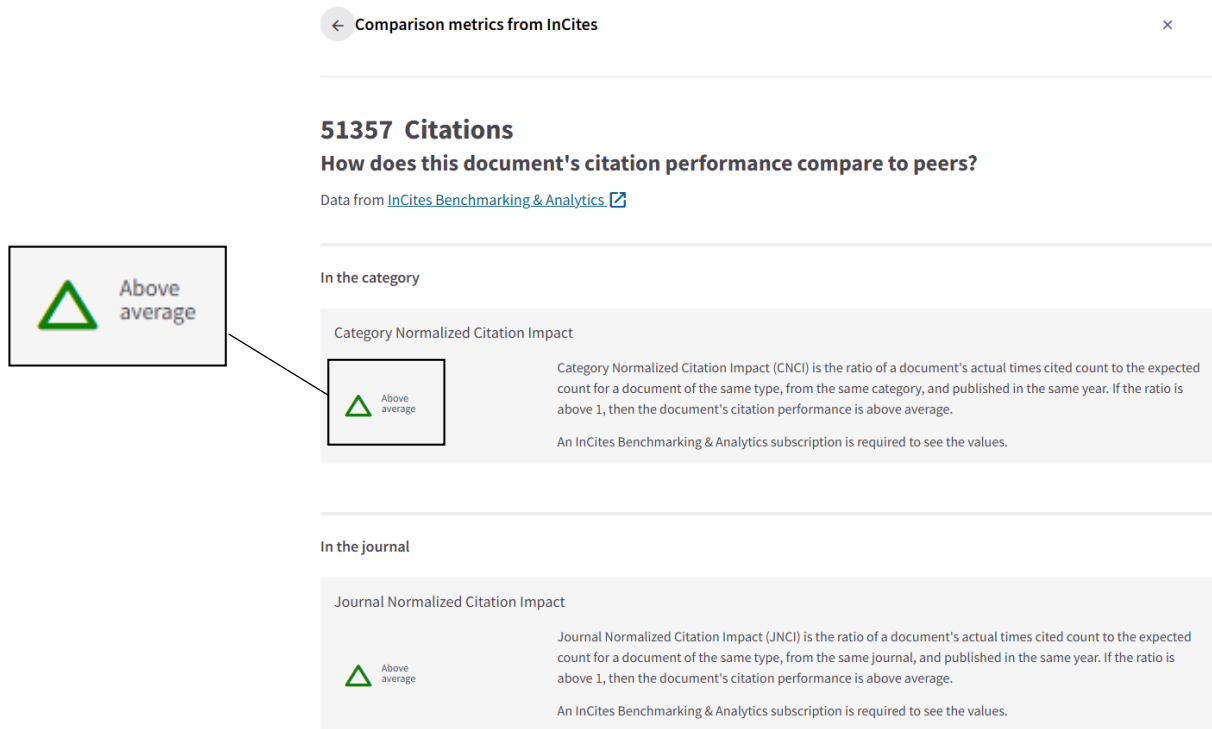
Desglose de cómo se ha mencionado este artículo, según los datos de contexto de cita disponibles y fragmentos de 9740 elemento(s) citante(s).

Background	6640
Basis	264
Support	70
Differ	1
Discuss	3570

Si tienes la herramienta contratada veremos el CNCI. En el que la media normal es 1.

Si no tienes la herramienta contratada podrás ver si el CNCI está:

- **Por encima** de la media esperada (es más que 1):



- **Por debajo** de la media esperada (es menos que 1):

